

Serotipos y resistencia antibiótica en *Shigella* spp aisladas de infecciones intestinales, Lima, 2012

Serotypes and antibiotic resistance in *Shigella* spp. isolated from intestinal infections, Lima, 2012

César E. Guerrero Barrantes¹, Alfredo Guillén O.¹, Roberto Rojas L¹, Nora Bravo² & Paola Muñoz¹

¹ Universidad Nacional Federico Villarreal, Facultad de Tecnología Médica, Lima 10

² Universidad Nacional Federico Villarreal, Facultad de Ciencias Naturales, Lima 10

DOI: <https://doi.org/10.33017/RevECIPeru2013.0005/>

Resumen

Se ha descrito que la distribución mundial de los serogrupos de *Shigella* no es igual en las distintas regiones. El objetivo es determinar los serotipos, la frecuencia de éstos y el patrón de resistencia a los antimicrobianos de los cultivos de *Shigella* spp. aislados de infecciones intestinales. Se evaluaron 75 cultivos de *Shigella* spp., identificados bioquímicamente y serológicamente, tanto su serogrupo como su serotipo, por aglutinación en lámina. Los patrones de resistencia antibiótica se determinaron mediante el método de difusión de disco en agar. De los 75 cultivos de *Shigella*, 54 fueron *Shigella flexneri* (72%) y 21 *Shigella sonnei* (28%). De los 54 cultivos de *Shigella flexneri*, el 48,15% resultó ser del serotipo 2a, seguidos por los serotipos 1b y 6 con el 12,96% cada uno, luego el serotipo 3a con 11,11% y por último los serotipos 1a, 4b y 2b, con 5,56%, 5,56% y 3,70%, respectivamente. La resistencia antibiótica observada en los cultivos de *Shigella*, independientemente del serogrupo, fue muy frecuente para Sulfametoxazol Trimetoprim, ampicilina, cloranfenicol y tetraciclina; además, algunos cultivos fueron resistentes a Aztreonam, Furazolidona y Amoxicilina-Acido Clavulánico. Los serotipos de *Shigella flexneri* desde infecciones intestinales, en Lima, son 2a – 1b – 6 – 3a – 1a – 4b – 2b; el más frecuente es el 2a, seguido por el 1b y 6 y el patrón de resistencia observado en *Shigella* spp, fue elevado para sulfametoxazol-Trimetoprim, Tetraciclina, Cloranfenicol y Ampicilina.

Descriptores: *Shigella*, serotypes, resistance.

Abstract

The global distribution of serogroups in *Shigella* is not equal across regions. The objective is to determine serotypes, the frequency and pattern of resistance to antimicrobial agents of cultures of *Shigella* spp. isolated from intestinal infections. The 75 cultures of *Shigella* spp., identified biochemically and serologically, were evaluated for serogroup and serotype, by agglutination on slide. Antibiotic resistance patterns were determined by disk agar diffusion method. Of the 75 strains of *Shigella*, 54 were *Shigella flexneri* (72%) and 21 *Shigella sonnei* (28%). Of the 54 strains of *Shigella flexneri*, 48,15% proved serotype 2a, while 12,96% corresponded to the 1b and 6 serotypes one each, than the serotype 3a with 11,11%, and finally the serotypes 1a, 4b and 2b, with 5.56%, 5,56 and 3,70%, respectively. Antibiotic resistance observed in cultures of *Shigella*, regardless of the serogroup, was very frequent for Sulfametoxazol Trimetoprim, ampicillin, chloramphenicol, and tetracycline; in addition, some strains were resistant for Aztreonam, furazolidone and amoxicillin-Clavulanic acid. The serotypes of *Shigella flexneri* from intestinal infections, in Lima, are 2a - 1b - 6 - 3a - 1a - 4b - 2b; the most frequent is the 2a, followed by 1b and 6 serotypes, and the resistance pattern observed in *Shigella* spp., was elevated to trimethoprim-sulfamethoxazole, tetracycline, chloramphenicol and ampicillin.

Keywords: *Shigella*, serotypes, resistance.

1. Introducción

Shigella es un bacilo gram negativo perteneciente a la familia Enterobacteriaceae, se caracteriza por no fermentar la lactosa, ser inmóvil, no produce lisina descarboxilasa y raramente produce gas a partir de hidratos de carbono. Su identificación se basa en características bioquímicas y antigénicas, describiéndose cuatro especies, todas ellas pueden causar disentería, aunque con diferente gravedad.

Las distintas especies de *Shigella* constituyen la principal causa de disentería bacteriana, diarrea caracterizada por eliminación frecuente de heces conteniendo pus, sangre y/o moco (Anand, et.al., 1986). El ser humano es el único reservorio conocido de este agente. La mayoría de los casos ocurren en niños, en general transmitidos por contacto directo. Los brotes a gran escala, vinculados a alimentos, son más raros. A pesar de ello, constituye un importante problema de salud pública mundial, debido fundamentalmente a su elevada transmisibilidad, la emergencia de cepas resistentes a antimicrobianos y la falta de vacunas efectivas.

En nuestro medio y en los países en desarrollo, la especie más común causal de shigelosis, aislada de heces diarreicas, es *S. flexneri*, mientras que en Estados Unidos las dos terceras partes de los casos de shigelosis son causados por *Shigella sonnei*, seguido por *Shigella flexneri* (CDC, 1999).

Estudios basados en el ADN indican que *Escherichia* y *Shigella* tienen un estrecho parentesco. Se sugiere que el gen que codifica el antígeno O de *Shigella sonnei*, anteriormente era cromosomal, el que ahora se encuentra en un plásmido, permitiéndose ventajas de adaptación ante el ambiente (Lai et.al.,1998). El género *Shigella*, así como la variante patógena *E. coli* Enteroinvasiva (ECEI), tienen fenotipos perdidos marcadamente similares, con reducción en el número de sustratos utilizados en relación a *E. coli* comensal, siendo necesario un suplemento nutricional adicional (Lan et. al., 2004). La diferencia bioquímica entre ECEI y *Shigella* es la utilización del acetato y mucato como única fuente de carbono, donde el primero puede ser positivo para uno o ambos, mientras que *Shigella* generalmente es negativo.

Todas las especies presentan antígeno O, termoestable y pueden o no poseer antígeno K, termolábil. Este último no interviene en la serotipificación, pero puede interferir en la determinación del antígeno O, lo cual se evita mediante la ebullición de la suspensión del cultivo. Gracias al antígeno O podemos clasificar a este género en cuatro serogrupos: el A como *S. dysenteriae*, el B como *S. flexneri*, el C como *S. boydii* y el D como *S. sonnei*.

Cada serogrupo puede subdividirse en tipos (serotipos), en base a variantes del antígeno O, estos serotipos se designan mediante números arábigos. Se recomienda identificar los serogrupos y serotipos respectivos de acuerdo al esquema sugerido por la OMS (Terragno et. al., 2007; HPA, 2007).

La dosis infecciosa es baja: 10 a 100 organismos, la bacteria es transmitida por la ruta fecal-oral, a través de agua y alimentos contaminados, ésta sobrevive al ambiente gástrico (resistencia a la acidez estomacal) y se dirige al intestino grueso (Todar, 2009). La bacteria se adhiere y penetra la célula epitelial de la mucosa intestinal, se internaliza a través de un endosoma, se libera ésta y se libera en el citoplasma, donde se multiplican intracelularmente y se diseminan a las células vecinas, trayendo como consecuencia degeneración del epitelio e inflamación de la lámina propia por muerte masiva de los macrófagos, descamación y ulceración de la mucosa, con sangrado y moco (Anand, et. al., 1986), dando la característica de la patología de shigelosis.

La shigelosis es una infección invasora cuya virulencia está codificada por plásmido de gran tamaño (120 MDa en *S. sonnei* y de 140 MDa en el resto de especies de *Shigella*) que contienen genes (operón *lpa*) que codifican la producción de proteínas (antígenos de invasión plasmidial), como el *lpaA*, *lpaB*, *lpaC* e *lpaD* necesarias para la adhesión epitelial, invasión y expansión de la bacteria a los macrófagos de la mucosa. Las lesiones más pronunciadas son vistas en el área rectosigmoidal y la intensidad de la inflamación decrece en la dirección proximal (Mathan and Mathan , 1991). Dos formas de plásmido de virulencia (*pINV*) han sido demostrados en *Shigella*, el *pINV A* y el *pINV B* (Lan et. al , 2004).

Cuando la bacteria crece a 37°C, las proteínas de virulencia (*Vir*) se activan, el *Vir F* induce la expresión de la proteína *VirB* y ésta a su vez activa los promotores de los genes *ipa* (antígeno de

invasión plasmidial), mxi (proteínas de excreción de membrana) y spa (antígenos presentadores de superficie), permitiendo la expresión de los operones respectivos. Sus proteínas sintetizadas dan lugar al complejo Translocon Mxi-Spa, el que se activa permitiendo la secreción de las proteínas Ipa (IpaB, IpaC e IpaA), las cuales van a interactuar con la membrana de la célula hospedadora, desencadenando una cascada de señales celulares que permitiría la internalización de la bacteria a través de endosoma, así como también de su salida ya en el citoplasma (Todar, 2009).

La infección bacteriana y la lesión tisular, conlleva a la diarrea y patología típica de shigelosis, pero, particularmente las toxinas producidas por *Shigella*, como las enterotoxinas 1 y 2, producen secreción de fluidos intestinal, además la toxina Shiga, producido sólo por *S. dysenteriae* serotipo 1 es citotóxica para una variedad de células y responsable del desarrollo de lesiones vasculares en el colon, riñones y sistema nervioso central (Mathan & Mathan, 1991). Los síntomas consisten en dolor abdominal, vómitos, fiebre y diarrea, que puede variar desde una disentería (diarrea sanguinolenta, moco y pus) hasta una diarrea acuosa (en el caso de *Sh. sonnei*). La enfermedad dura entre 3 hasta 14 días.

Schroeder and Hilbi (2008), señala que las investigaciones de los últimos 25 años han revelado que un sistema de secreción tipo III (SST3) codificado por un gran plásmido es un factor de virulencia clave de *Shigella flexneri*. El SST3 determina las interacciones de *S. flexneri* con las células intestinales translocando consecutivamente dos set de proteínas efectoras en las células blanco. Así, *Shigella* controla la invasión intra e intercelular, la muerte de macrófagos, así como la respuesta inflamatoria del hospedador (Bernardini et. al., 1989). Un entendimiento de los mecanismos moleculares en la patogénesis de *Shigella* fomentaría el desarrollo de una vacuna eficiente y segura, que paralelamente con la mejora de la higiene frenaría las infecciones por este patógeno. *Shigella* causa anualmente en los países en desarrollo 163 millones de episodios de diarrea y un millón de muertes (Kotloff, et. al. 1999), donde la secuencia por frecuencia de las especies es *S. flexneri*, *S. sonnei*, *S. boydii*, y *S. dysenteriae*, señalando como serotipos frecuentes de *S. flexneri*, al 2a, seguido por 1b, 3a, 4a y 6.

En un estudio de mortalidad por diarrea aguda en niños menores de 5 años realizado en la Ciudad Hospitalaria "Dr. Enrique Tejera" de la Ciudad de

Valencia, estado Carabobo, se aisló *Shigella* en el 19% de los niños fallecidos por diarrea, resultando además *S. flexneri* el serogrupo más frecuente (Pérez-Schael, et. al. 2007); posteriormente, en la misma localidad, Bellorin y col. (2008), en un programa de vigilancia de la diarrea aguda, encontraron un 27% para *Shigella*, distribuido como: *S. flexneri* 21%, *S. sonnei* 5%, *S. boydii* 0.6% y *S. dysenteriae* 0,1% ; resaltándose que los serotipos más frecuente en el serogrupo *Shigella flexneri* fueron 2a (40%), 3a (24%); 2b (18%); 1a (6%); 6 (4%); 3b (2%), 4a (2%), variante "X" (2%) y variante "Y" (2%), y relaciona al serotipo 2a con la severidad del episodio; demostrando también la alta resistencia antibiótica de *S. flexneri* frente a tetraciclina, ampicilina, cloranfenicol, amoxicilina y ácido clavulánico y sulfametoxazol trimetoprim. Aunque, en un brote ocurrido en una comunidad escolar en Colombia, Hidalgo y col. (2002), a través del Instituto Nacional de Salud de Bogotá, describen como agente causal a *Shigella flexneri* y como único serotipo implicado el 6.

En Argentina, Merino y col. (2004), estudiaron 132 cultivos de *Shigella*, de las cuales 29 (22%) correspondieron a *S. sonnei* y 103 (78%) correspondían a *S. flexneri*, de estas últimas, 91 pertenecían al serotipo 2, ocho fueron del serotipo 6, tres pertenecieron al serotipo 3 y una correspondió al serotipo 1. Sin embargo, Mota y col. (2005), en Uruguay, reportaron la prevalencia de *Shigella flexneri*, seguido de *S. sonnei* y *S. dysenteriae*, donde los serotipos frecuentes de la primera fueron 2a, 3c, 4, 6 y 1.

En nuestro país, en el distrito La Victoria, Lima, Perales y col. (2002), reportan la frecuencia de *Shigella* como causal de diarrea aguda en niños menores de dos años, con un 4,8%, después de *Campylobacter*, resaltando que *S. flexneri* es la más frecuente seguida de *S. sonnei*; mientras que, un estudio epidemiológico realizado en la amazonía peruana por Kosek et. al. (2008), en heces de niños de la zona, reportaron que el 33.1% de los aislamientos de *Shigella flexneri*, fueron los serotipos 2a, seguido por 3a con el 19.4%, el 6 con 16.5%, el serotipo 4a con el 10.1% y los otros serotipos sumaron menos del 10%. Así mismo, reportan el nivel de resistencia antibiótica, donde se manifiesta la secuencia de frecuencia de resistencia con tetraciclina (83%), sulfametoxazol trimetoprim (79%), ampicilina (73%) y cloranfenicol (62%); sin embargo, los cultivos estudiados fueron sensibles a ceftriaxona, azitromicina, ácido nalidixico y ciprofloxacina.

Se ha descrito que la distribución mundial de los serogrupos de *Shigella* no es igual en las distintas regiones; *S. flexneri* es más frecuente en los países en desarrollo, mientras que en los países desarrollados predomina *S. sonnei* (Kotloff et. al., 1999). Así como también la distribución de serotipos en el caso de *S. flexneri*, observándose algunas variantes en la frecuencia de éstos en Argentina (Merino y col., 2004), Colombia (Bellorin y col., 2008) y Uruguay (Mota y col., 2005). En nuestro medio y especialmente en Lima, no hay un conocimiento definido sobre la zonificación de los serotipos de *Shigella* que se encuentran causando infecciones intestinales y menos un mapeo regional o nacional. Pues, se ha descrito que la distribución mundial de los serogrupos de *Shigella* no es igual en las distintas regiones; así mismo la frecuencia de los serotipos de *Shigella* suelen mostrar variaciones. Es muy probable que en nuestro país se pueda dar diferencias en la distribución de los serotipos de *Shigella*, en las diferentes regiones, añadiéndose a esta problemática, el creciente desarrollo de multirresistencia a los antibióticos que presenta *Shigella* (Sack et. al., 1997; Hernández y col., 2002; CDC, 2006), lo que reduce considerablemente las opciones de tratamiento y enfoca la lucha contra la enfermedad hacia otro horizonte como es el desarrollo de vacunas (Coster et. al., 1999). Algunas de estas vacunas se orientan a estimular la respuesta inmune contra los determinantes antigénicos serotipos específicos del polisacárido "O" (Fries et. al., 2001) del lipopolisacárido (LPS) de la pared celular bacteriana. Pero el desarrollo de estos programas de vacunas solo tendrá éxito si se establecen en las regiones sistemas de vigilancia, que permitan conocer la prevalencia de la enfermedad y la distribución de los distintos serogrupos y serotipos de la bacteria. El conocimiento detallado de la estructura antigénica resulta de utilidad para estudios epidemiológicos y en la formulación de vacunas.

Ante esto, surgen las preguntas ¿Cuáles son los serotipos de *Shigella* aislados desde infecciones intestinales, en Lima? y ¿cuáles son los más frecuentes?, así como ¿Cuál es el patrón de resistencia antibiótica presente en dichos cultivos? El objetivo del estudio es conocer los serotipos, la frecuencia de éstos y el patrón de resistencia a los antimicrobianos de cultivos de *Shigella* spp. aislados de infecciones intestinales, provenientes de tres centros de salud de Lima, 2012.

2. Metodología

2.1 Método

Es un estudio tipo prospectivo y descriptivo, basado en la detección de los serotipos y los patrones de resistencia antibiótica. Se evaluaron 75 cultivos de *Shigella* spp., aislados de infecciones intestinales, recolectados desde tres centros de salud de Lima, durante los meses de enero a noviembre, 2012, los cuáles fueron identificados bioquímicamente y serológicamente.

2.2 Procedimiento

2.2.1 Toma de muestra

Los cultivos de *Shigella* seleccionadas, aislados de infecciones intestinales en el Instituto de Salud del Niño, Hospital Madre – Niño San Bartolomé Herrera y Clínica San Borja, fueron inicialmente conservadas en Caldo Trypticasa de soya con Glicerol. Luego reactivadas por siembra en Agar Mac Conkey para determinar la pureza del cultivo y confirmadas como *Shigella*, usando el set de bioquímica de rutina para su identificación (HPA, 2007), siempre a partir de una colonia.

2.2.2 Procesamiento de muestras

2.2.2.1 Determinación de los serogrupos y serotipos de *Shigella* (NPA, 2007; Terragno, 2007)

Se sembraron desde una colonia, la cepa seleccionada, en Agar Trypticasa de Soya (TSA), tubo inclinado, e incubado por 24 horas a 37 °C.

El cultivo obtenido en el paso anterior fue resuspendido con 3 mL de Solución Salina Fisiológica estéril, obteniéndose una suspensión equivalente al 0,5 de la escala de Mc Farland.

Los sueros polivalentes de serogrupos y monovalentes respectivos alcanzaron la temperatura del ambiente.

Mezclamos cuidadosamente, sobre una lámina de vidrio, una asada de la suspensión bacteriana y una gota de solución salina fisiológica (control de aglutinación), se siguió con los pasos posteriores al no aglutinar.

Mezclamos cuidadosamente, sobre una lámina de vidrio, una asada de la suspensión bacteriana y una gota de antisuero polivalente, se movió la lámina suavemente por 2 minutos (la suspensión

homogénea indicó la reacción negativa; mientras que la reacción positiva se evidenció por una aglutinación). Probamos en primera instancia, con el polivalente para *S. flexneri*; si no aglutinaba se probó con el suero para *S. sonnei* y así sucesivamente se siguió con los sueros para *S. boydii* y *S. dysenteriae*.

Los cultivos con característica bioquímica de *Shigella*, con aglutinación pobre o no, sus suspensiones fueron calentadas en baño maría a 100 °C por 30 minutos y se procedió al ensayo como se indica en la línea de arriba.

La aglutinación positiva de los % cultivos con los antisueros polivalentes fueron evaluados posteriormente con sus respectivos monovalentes.

Se registraron los resultados obtenidos en la hoja respectiva.

2.2.2.2 Resistencia Antibiótica - Resistencia Antibiótica

Los patrones de resistencia antibiótica se determinaron mediante el método de difusión de disco en agar, siguiendo los lineamientos del Clinical and Laboratory Standards Institute (CLSI, 2006). Se probaron los antibióticos: Ampicilina (10µg), amoxicilina / ácido clavulánico (20 µg/10 µg), sulfametoxazol-trimetoprim (1,25µg / 23,75µg), tetraciclina (30µg), Cloranfenicol (30 µg), ceftriaxona (30 µg), cefotaxime (30 µg), aztreonam (30 µg), imipenem (10 µg). Como control se usaron las cepas de *E. coli* ATCC 25922 y *E. coli* ATCC 35218.

Análisis Estadístico de los datos: Los datos obtenidos serán procesados siguiendo un patrón automatizado con el auxilio del software estadístico básico.

3. Resultados y discusión

De los setentaicinco (75) cultivos evaluados, que correspondieron bioquímicamente al género *Shigella*, cincuenta y cuatro (54) fueron del grupo serológico B o *Shigella flexneri*, que representa el 72% (54/75) y veintiuno (21) fueron del grupo serológico D o *Shigella sonnei*, que corresponde al 28% (21/75), según podemos observar en la tabla N° 1. Sólo se detectaron los dos serogrupos.

Tabla 1: Serogrupos *Shigella*

SEROGRUPO	n	%
Shigella B	54	72
Shigella D	21	28
TOTAL	75	100

De los 54 cultivos de *Shigella* serogrupo B o *Shigella flexneri*, el 48,15% (26/54) resultaron ser del serotipo 2a, mientras que los serotipos 1b y 6 fueron del 12,96 % (7/54), cada uno, seguido el serotipo 3a con 11,11% (6/54), luego por los serotipos 1a y 4b, ambos con 5,56% (3/54) y por último el serotipo 2b con el 3,7% (2/54), como se demuestran en la tabla N° 2 y el gráfico N°1. Observándose que el serotipo con más frecuencia en este grupo de cepas estudiadas fue el serotipo 2a.

Tabla 2: Serotipificación *Shigella B*

SEROTIPO	n	%
B1a	3	5,56
B1b	7	12,96
B2a	26	48,15
B2b	2	3,70
B3a	6	11,11
B3b	0	0,0
B4a	0	0,0
B4b	3	5,56
B5a	0	0,0
B5b	0	0,0
B6	7	12,96
B Variante X	0	0,0
B Variante Y	0	0,0
TOTAL	54	100

La resistencia antibiótica observada en los cultivos de *Shigella*, independientemente del serogrupo, fue muy frecuente para los antibióticos Sulfametoxazol Trimetoprim, ampicilina, cloranfenicol y tetraciclina, observándose dicho patrón en cultivos, tanto del serogrupo B (*Shigella flexneri*), como del serogrupo D (*Shigella sonnei*). Además, algunos cultivos expresaron resistencia a Aztreonam, Furazolidona y Amoxicilina-Acido Clavulánico, según se demuestran en la tabla N° 3.

Tabla 3: Resistencia antibiótica de *shigella spp* (n=75)

	Sxt	Te	Am	Cl	A-C	Fz	Az	Cef	Ctx	Im
n	75	71	48	53	4	4	4	0	0	0
%	100	94	64	70	5	5	5	0,0	0,0	0,0

Sxt: Sulfametoxazol trimetoprim; Te: Tetraciclina; Am: Ampicilina; Cl: Cloranfenicol; Fz: Furazolidona A-C: Amoxicilina-Ácido Clavulánico; Az: Aztreonam; Cef: Ceftriaxona; Ctx: Cefotaxima; Im: Imipinem; n: número de cultivos resistentes; %: Porcentaje.

Como se puede observar en nuestros resultados, el serogrupo de *Shigella* más frecuente aislado es el B o *Shigella flexneri* (con el 72%), seguido por *Shigella sonnei* o serogrupo D (con 28%), como lo reporta Kotloff et. al (1999), en un estudio realizado sobre la carga mundial de infecciones por *Shigella*; así como también lo señalan Merino y col. (2004), en Argentina, quienes reportan que el 78% correspondió a *Shigella flexneri*; de igual manera Mota y col. (2005), en Uruguay y Bellorin y col. (2008), en Colombia, manifiestan el mismo sentido de la predominancia del serogrupo B sobre el D. Es importante señalar el estudio realizado por Kosek et. al. (2008), en la Amazonía peruana, quienes reportan el mismo sentido de frecuencia de serogrupo observado en nuestro estudio, donde el 67% fueron *Shigella flexneri* y el 11,8% fue *Shigella sonnei*, además de *Shigella boydii* (11,4%) y *Shigella dysenteriae* (2,4%), cuyas muestras fueron de heces provenientes de pacientes disentéricos o heces sanguinolentas, mientras que en nuestro estudio sólo se limitó a evaluar los cultivos de *Shigella* aislados de casos de infecciones intestinales y no necesariamente disentéricas.

De los 54 cultivos de *Shigella flexneri* (serogrupo B), evaluados para su serotipificación, se obtuvo la secuencia de frecuencia de serotipos: 2a – 1b – 6 – 3a – 1a – 4b – 2b, donde el serotipo 2a alcanzó el 48,15% (26/54), seguido por el 1b y el 6 con 12,96% cada uno, mientras que el 3a alcanzó el 11,11%. Esta secuencia mantiene similitud con el serotipo 2a, con el cual todos los autores coinciden en que es el de mayor presencia en este serogrupo; el resto de serotipos es de expresión variable en cuanto a su presencia y frecuencia, como podemos ver en la tabla N° 4, donde Bollini y col. (2008), en Colombia, reportan los serotipos 2b y 3b, mientras que Mota y col. (2005), en Uruguay, reportan el serotipo 3c, el cual no es descrito por los otros autores consultados y tampoco por nuestro estudio.

La secuencia de los serotipos de *Shigella flexneri* detectadas en el presente estudio es muy similar a la descrita por Kotloff (1999), con la frecuencia de

los dos primeros serotipos; pero difiere un tanto a la secuencia reportada por Kosek et. al. (2008), a pesar de ser cultivos provenientes de nuestro país, pero de la región amazónica, resaltando la diferencia en el serotipo 1a (reportado con 5,56%) y el 4a, donde el primero fue detectado sólo en nuestro estudio y el segundo fue detectado sólo en el trabajo de Kosek et. al (2008), además que el serotipo 1b, reportado con el 12,89% en el presente estudio, observa mayor frecuencia que el reportado (9,7%) por dichos autores. Se deja entrever por los resultados alcanzados que el serotipo 2a es el de mayor frecuencia entre los cultivos de *Shigella flexneri* y los demás serotipos son variables.

Tabla 4: Comparación de serotipos de *Shigella flexneri*.

AUTORES	LUGAR/REGION	SECUENCIA/SEROTIPOS (*)
Kotloff (1999)	Mundial	2a - 1b - 3a - 4a - 6
Merino (2004)	Argentina	2 - 6 - 3 - 1
Mota (2005)	Uruguay	2a - 3c - 4 - 6 - 1
Bellorin (2008)	Colombia	2a-3a-2b-1a-6-3b-4a
Kosek (2008)	Amaz./Perú	2a-3a-6-4a-1b-4b
Guerrero (2012)	Lima/Perú	2a-1b-6-3a-1a-4b-2b

(*): La secuencia de serotipos indicada es por orden de mayor a menor frecuencia.

4. Conclusiones

- 1.- Los serotipos de *Shigella flexneri* detectados desde infecciones intestinales, en Lima son: 2a – 1b – 6 – 3a – 1a – 4b - 2b.
- 2.- El serotipo más frecuente es el 2a, seguido por los serotipos 1b y el 6.
- 3.- El patrón de resistencia observado en *Shigella* spp, fue elevado para Sulfametoxazol-Trimetoprim, Tetraciclina, Cloranfenicol y Ampicilina.

Agradecimientos

Nuestro profundo agradecimiento a Yelina Vásquez y Doris Murga, alumnas de la Escuela del 5to. Año de Laboratorio de la Facultad de Tecnología Médica, por su valiosa colaboración. Así mismo, nuestro reconocimiento a los Srs. César Ventura y Herminio Pasache, personal técnico del Laboratorio por su gran apoyo.

Referencias

- [1] B. S. Anand, V. Malhotra, S.K. Bhattacharya, P. Datta, D. Sen, M.K. Bhattacharya, S. Mukharjee and S. C. Pal. Rectal histology in acute bacillary dysentery. *Gastroenterology*. 90 (1986) 654-660.
- [2] I Bellorín; G. Urbina, F. González, B. Salinas, M. Tomat, R. González. Serotipos y Resistencia antimicrobiana de cepas de *Shigella flexneri* aisladas de niños con diarrea aguda. Relación entre el serotipo y la severidad del episodio. *Rev. Soc. Venez. Microbiol.* 28 (2008) 110-115
- [3] M.L. Bernardini, J. Mounier, H D Hauteville, M. Coquis-Rondon. & P. J. Sansonetti Identification of icsA, a plasmid locus of *Shigella flexneri* that governs intra and intercellular spread through interaction with factin. *Proc Natl Acad. Sci USA*, 86 (1989) 3867-3871.
- [4] Center Diseases Control. Outbreaks of *Shigella sonnei* Infection Associated with Eating Fresh Parsley - United States and Canada, July-August 1998. *MMWR*. 48 (14) (1999)
- [5] Center Diseases Control. Outbreaks of multidrug-resistant *Shigella sonnei* gastroenteritis associated with Day Care Centres Kansas, Kentucky, and Missouri, 2005. *MMWR* 55(39)1068-1071. (2006).
- [6] Clinical and Laboratory Standards Institute/NCCLS. Performance standards for antimicrobial susceptibility testing. Sixteenth Informational Supplement. Clinical and Laboratory January Standards Institute, Wayne, Pa. USA. (2006).
- [7] T.S Coster, C.W Hoge, L.L VanDeVerg, A.B Hartman, E.V Oaks, M.M Venkatesan, et. al. Vaccination against Shigellosis with attenuated *Shigella flexneri* 2a strain SC602. *Infect Immun*. 67(1999) 3437-43.
- [8] LF Fries, AD Montemarano, CP Mallet, D.N Taylor, TL Hale, G.H Lowell. Safety and immunogenicity of a proteasome *Shigella flexneri* 2a lipopolysaccharide vaccine administered intranasally to healthy adults. *Infect. Immun*. 69(2001): 4545-53.
- [9] Health Protection Agency. Identification of *Shigella* species National Standard Method BSOP ID. 20 Issue 2.(2007).
- [10] M. Hidalgo, M. E. Realpe, N. Muñoz, D. Sicard, E. Silva, C.I. Agudelo, E. Castañeda. Brote de enfermedad diarreica aguda causado por *Shigella flexneri* en una escuela en Madrid, Cundinamarca: caracterización fenotípica y genotípica de los aislamientos. *Biomédica* (2002), 22 (003): 272 – 279.
- [11] M. Kosek, P. Peñataro, W. K. Pan, M. Paredes, R. H. Gilman, J. Perez, C. Banda, G. Meza, R. Burga and E- Hall. Epidemiology of Highly Endemic Multiply Antibiotic-Resistant Shigellosis in Children in the Peruvian Amazon, *Pediatrics*;122(2008): e541-e549.
- [12] K.L. Kotloff, J.P. Winickoff, B. Ivanoff, J.D. Clements, D.L. Swerdlow, P.J. Sansonetti, G.K. Adak and M.M. Levine. Carga mundial de infecciones por *Shigella*: implicaciones para el desarrollo de vacunas y la aplicación de estrategias de control. *Bulletin WHO*; 77 (1999) 651-66.
- [13] V. Lai, L. Wang, and P. Reeves. *Escherichia coli* clone Sonnei (*Shigella sonnei*) had a chromosomal O-antigen gene cluster prior to gaining its current plasmid-borne O-antigen genes. *J.Bacteriol.*(1998). 180(11):2983-2986.
- [14] R. Lan, M. Chehani, K. Donohoe, M.B. Martinez and P.R. Reeves. Molecular Evolutionary Relationships of enteroinvasive *E. coli* and *Shigella* spp. *Infect. Immun*. (2004). 72(9): 5080-5088.
- [15] I. Hernández, & G.A. Godoy. *Shigella* sp. Ais en Ciudad Bolivar. Prevalencia y su sensibilidad a los antimicrobianos. *Rev. Soc Ven Microbiol.* (2002). 22(1), pp. 22- 26.
- [16] M.M. Mathan and V.I. Mathan. Morphology of rectal mucosa of patients with shigellosis. *Rev.Infect.Dis.* (1991). 13 [suppl. 4]: S314S318.
- [17] M.I. Mota, G. Varela, M. Gadea, M.I. Caffer, A. Sirok & F. Schelotto. Serotipos, perfil plasmidico y antibiotipos de cepas de *Shigella flexneri* aisladas de niños menores de 5 años con diarrea sanguinolenta usuarios de los servicios de Salud Pública. *Rev. Med. Urug.* 21(2005):30-36.
- [18] L. A. Merino, G.E. Hreňuk, M.C Ronconi. y J.M. Alonso. Resistencia a antibióticos y epidemiología molecular de *Shigella* spp. en

- el nordeste argentino. Rev Panam Salud Publica. (2004). 15(4): 219-24.
- [19] M. Perales, M. Camiña, C. Quiñones. Infección por *Campylobacter* y *Shigella* como causa de Diarrea Aguda Infecciosa en niños menores de dos años en el Distrito de la Victoria, Lima-Perú. Rev. Per. med. exp. Salud pub.(2002) 19 (4) oct./dic.
- [20] I. Pérez-Schael, B. Salinas, R González, H. Salas, J.E. Ludert, M. Escalona, et al. Rotavirus mortality confirmed by etiologic identification in venezuelan children with diarrhea. *Pediatr. Infect Dis J.* 26 (2007) 393-397.
- [21] R.B Sack, M Rahman., M. Yunus., E.H. Khan. Antimicrobial resistance in organisms causing diarrheal disease. *Clin Infect. Dis.* 1 (1997): S102-S105.
- [22] G. N. Schroeder and H.Hilbi. Molecular Pathogenesis of *Shigella* spp.: Controlling Host Cell Signaling, Invasion, and Death by Type III Secretion. *Clin.Microbiol.Rev.*(2008). 21(1):134-156.
- [23] Manual de procedimientos: diagnóstico y caracterización de *Shigella* spp. Departamento de Bacteriología, Instituto Nacional de Enfermedades Infecciosas A.N.L.I.S. "Dr. Carlos G. Malbrán" WHO global salm surv. (2007).
- [24] K. Todar. *Shigella* and Shigellosis. Department of Bacteriology, University of Wisconsin-Madison. USA (2009). On line: www.textbookofbacteriology.net
E-mail: cesgueba@ec-red.com